

© Коллектив авторов, 2014

УДК 616.314.17-008.1-036

Э.Р. Тамарова А.Р. Зулькарнаева, А.Р. Мавзютов

МИКРОФЛОРА ПОЛОСТИ РТА ПРИ ВОСПАЛИТЕЛЬНЫХ ЗАБОЛЕВАНИЯХ ПАРОДОНТА

Башкирский государственный медицинский университет, Уфа, Россия

Цель. Изучить распространенность ассоциированных с пародонтитом патогенных и условно-патогенных микроорганизмов у пациентов с хроническими формами пародонтита.

Материалы и методы. У 60 пациентов с пародонтитом средней степени тяжести исследовано содержимое пародонтального кармана зубов и слюны. Изучен видовой состав основных пародонтопатогенных бактерий (*P. gingivalis*, *T. denticola*, *S. oralis*, *S. sanguis*, *S. mutans*, *S. salivarius*, *S. sobrinus*, *S. macacae*) с использованием метода полимеразной цепной реакции.

Результаты. В содержимом пародонтального кармана зубов и слюны обнаружено сочетание несколько видов бактерий. Наиболее часто встречаются сообщества: *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis* (16,7%), *P. gingivalis*, *T. denticola*, *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis* (15,0%) и *P. gingivalis*, *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis*, *S. sobrinus* (15,0%).

Заключение. Проведение молекулярно-генетических исследований у больных пародонтитом позволяет обосновать этиологический диагноз заболевания, назначить адекватную антибактериальную терапию.

Ключевые слова: пародонтит, микрофлора, полимеразная цепная реакция.

E.R. Tamarova, A.R. Zulkarnaeva, A.R. Mavzyutov

MOLECULAR-GENETIC CHARACTERISTICS OF THE ORAL MICROFLORA IN CASES OF PERIODONTITIS

Bashkir State Medical University, Ufa, Russia

Objective. Estimation of the prevalence associated with periodontitis pathogenic and conditionally pathogenic microorganisms in patients with chronic forms of periodontitis.

Materials and methods. The contents of the periodontal pockets and teeth of saliva in 60 patients with periodontitis of moderate severity were examined. The species-specific composition of the major periodontopathogenic bacteria (*P. gingivalis*, *T. denticola*, *S. oralis*, *S. sanguis*, *S. mutans*, *S. salivarius*, *S. sobrinus*, *S. macacae*) using the method of polymerase chain reaction were estimated.

Results. It was found a combination of several types of bacteria in the contents of the periodontal pockets and teeth of saliva. The most frequent community are: *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis* (16,7%), *P. gingivalis*, *T. denticola*, *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis* (15,0%) and *P. gingivalis*, *S. mutans*, *S. sanguis*, *S. oralis*, *S. sobrinus* (15,0%).

Conclusion. Molecular-genetic examination of patients with parodontitis allows to substantiate the etiological diagnosis of disease, to assign adequate antibacterial therapy.

Key words: periodontitis, microflora, polymerase chain reaction.